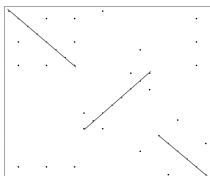


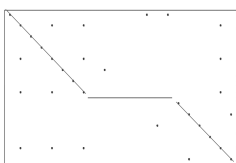
1. Короткие «прочтения» затрудняют сборку полной последовательности нуклеотидов генома из-за
 а) повторов б) уникальных фрагментов генома

2. Приведенный результат Дот-плот анализа указывает на наличие



а) разворота части генома б) делеции (вставки) в) повтора

3. Приведенный результат Дот-плот анализа указывает на наличие



а) разворота части генома б) делеции (вставки) в) повтора

4. Принимая для совпадения счет +1, в пустую ячейку во втором ряду следует поместить

а) -1 б) -3 в) -5

	A	T	G
G	0	-2	-4
G	-2	-1	-3
A	-4		
A	-6		
A	-8		
T	-10		
G	-12		
G	-14		

5. Стрелку следует направить

а) по вертикали б) по горизонтали в) по диагонали

6. Какой счет использовался для пропусков

а) -1 б) -2 в) -3

7. Какой счет использовался для несовпадающих оснований

а) -1 б) -2 в) -3

8. Метилированные CpG-динуклеотиды можно выявить с помощью:

- А. метилчувствительной ПЦР Б. метилспецифической ПЦР
- В. рутинного кариотипирования Г. бисульфитного секвенирования

9. Метилзависимые рестриктазы

- А. метилированные аллели гидролизуют, а неметилированные – нет
- Б. неметилированные аллели будут гидролизованы, а метилированные – нет
- В. исключительно частощепящие
- Г. исключительно редкощепящие

10. К недостаткам метилчувствительной ПЦР относится:

- А. Можно анализировать только те CpG-динуклеотиды, которые попадают в сайты узнавания известных рестриктаз
- Б. Возможность анализировать CpG независимо от локализации
- В. Необходима обработка тестируемых образцов ДНК бисульфитом натрия
- Г. Ложноположительные результаты из-за неполного гидролиза матрицы рестриктазой